

GPE 33

HISTORIA DEMOGRÁFICA Y FILOGEOGRAFÍA DE GUAZÚ BIRÁ (*Mazama gouazoubira*, FISCHER, 1814) EN URUGUAY

Elizondo-Patrone C.¹, L. Bidegaray², P. Aristimuño¹, S. González^{1,3}. ¹Departamento de Biodiversidad y Genética, Instituto de Investigaciones Biológicas Clemente Estable (IIBCE-MEC). ²Laboratorio de Etología, Ecología y Evolución, Instituto de Investigaciones Biológicas Clemente Estable (IIBCE-MEC). ³Sección Genética Evolutiva, Facultad de Ciencias, UdelaR, Montevideo, Uruguay.
Email: sgonzalez@iibce.edu.uy

El guazú birá (*Mazama gouazoubira*) es una de las tres especies de ciervos nativos de Uruguay, con un amplio rango de distribución a lo largo de América del Sur. Habita principalmente bosques nativos ribereños. En Uruguay existen registros en 10 departamentos. Es considerada una especie abundante, cuyas poblaciones están disminuyendo debido a las actividades antropogénicas, principalmente la fragmentación y pérdida de hábitat. En este estudio se analiza y compara la variabilidad genética de 28 muestras de diferentes localidades del noreste y sureste del país. Se amplificaron y concatenaron 115 pb de la Región control y 166 de Citocromo b del ADN mitocondrial. Se identificaron 29 sitios polimórficos para el fragmento concatenado. Fueron identificados 22 haplotipos, de los cuales uno sólo es compartido entre individuos del noreste y sureste. El índice de diversidad haplotípica ($Hd = 0,979$) indica una gran variabilidad genética, la cual es muy alta dentro de las localidades y explica el 78,9 % de la varianza genética encontrada ($F_{st} = 0,21$, $p < 0,001$). No se encontró diferenciación entre las localidades del noreste y sureste del país ($F_{ct} = 0,10$, $p < 0,001$). La historia demográfica de la especie en Uruguay comenzó hace 0,8 MA, con una gran expansión ($R_2 = 0,16$, $p < 0,05$; $r = 0,09$, $p < 0,05$) entre $0,464 \pm 0,06$ MA, seguido de una demografía constante, sin grandes crecimientos ni disminuciones. Estos resultados sugieren grandes tamaños poblacionales donde los tipos de bosques habrían estado actuando como corredor biológico entre dichas poblaciones, permitiendo el intercambio génico.

GPE 34

PATRONES DE DIFERENCIACIÓN GENÉTICA EN *Rhamdia quelen* EN LAS CUENCAS DE URUGUAY

Ríos N.^{1,3}, C. Bouza², B. Gomez-Pardo², V. Gutiérrez¹, J. Guerra-Varela², P. Martinez², G. García¹. ¹Sección Genética Evolutiva, Facultad de Ciencias, UdelaR, Montevideo, Uruguay. ²Departamento de Genética, Facultad de Veterinaria, Campus de Lugo, Universidad de Santiago de Compostela, Lugo, España. ³Museo Nacional de Historia Natural, Montevideo, Uruguay.
Email: nrriosp@gmail.com

Rhamdia quelen (bagre negro) pertenece al Orden Siluriformes y constituye un recurso valioso en pesquerías y para el desarrollo de la acuicultura. Sin embargo, diferentes estudios contradictorios hacen que la sistemática de esta especie sea controvertida. Es por esto que nos propusimos realizar un análisis filogeográfico utilizando marcadores mitocondriales y nucleares de *R. quelen* en cuencas de Uruguay a los efectos de identificar la estructura poblacional asociada a estos ambientes. En las cuencas cis andinas, los resultados obtenidos permitieron detectar siete linajes mitocondriales altamente divergentes que conforman el complejo *R. quelen*. En Uruguay se detectaron tres de estos linajes (Rq2, Rq3 y Rq4) y debido a que estos presentaron altos valores de divergencia, podrían significar unidades evolutivamente significativas (ESU) para la conservación de recursos genéticos de esta especie en el país. Por último, el análisis a microescala geográfica basado en microsatélites ha permitido diferenciar seis grupos que se distribuyen de la siguiente manera: Laguna del Sauce; Laguna Castillos; Laguna Blanca; Laguna de Rocha; los dos grupos restantes coexisten en las grandes cuencas de Uruguay (incluso habitan una misma localidad). Los seis grupos podrían representar distintas unidades de manejo (MU), unidades prioritarias para la conservación que deberían ser revisadas con el fin de distinguir diferentes características a ser explotadas en la acuicultura.